

## Overzicht van onderzochte genen/exonen van het Myeloid NGS haloplex HS panel.

### Referentiegenoom GRCh37(hg19)

Gen	RefSeq	Exon(en)	Type
ANKRD26	NM_014915.2	Alle	Tumor Suppressor
ASXL1	NM_015338.5	13 (laatste exon)	Tumor Suppressor
BCOR	NM_017745.5	Alle	Tumor Suppressor
CALR	NM_004343.3	9	Oncogen
CBL	NM_005188.3	8-9	Oncogen/ Tumor Suppressor
CEBPA	NM_004364.3	1	Tumor Suppressor
CSF3R	NM_156039.3	14,17	Oncogen
DDX41	NM_016222.4	Alle	Tumor Suppressor
DNMT3A	NM_175629.2	4,8-23	Tumor Suppressor
ETNK1	NM_018638.4	3	Oncogen
ETV6	NM_001987.4	Alle	Tumor Suppressor
EZH2	NM_004456.4	Alle	Tumor Suppressor/ Oncogen
FLT3	NM_004119.2	14-15, 20	Oncogen
GATA2	NM_032638.5	Alle	Oncogen
IDH1	NM_005896.3	4	Oncogen/ Tumor Suppressor
IDH2	NM_002168.3	4	Oncogen
JAK2	NM_004972.3	12,14	Oncogen
KIT	NM_000222.2	2,8-11,13,14,17	Oncogen
KRAS	NM_004985.4	Alle	Oncogen
MPL	NM_005373.2	10	Oncogen
NF1	NM_001042492.3	Alle	Tumor Suppressor
NPM1	NM_002520.6	11	Oncogen
NRAS	NM_002524.3	2-3	Oncogen
PTPN11	NM_002834.4	3, 13	Oncogen
RUNX1	NM_001754.4	Alle	Tumor Suppressor
SETBP1	NM_015559.3	4	Oncogen
SF3B1	NM_012433.3	13-17	Oncogen
SRSF2	NM_003016.4	1	Oncogen
STAG2	NM_001042749.2	Alle	Tumor Suppressor
TET2	NM_001127208.2	3, 9-11	Tumor Suppressor
TP53	NM_000546.5	Alle	Tumor Suppressor
U2AF1	NM_006758.2	2,6-7	Oncogen
WT1	NM_024426.4	7-9	Tumor Suppressor/ Oncogen
ZRSR2	NM_005089.3	Alle	Tumor Suppressor

De volgende regio's zijn systematische drop out regio's: voor deze regio's wordt er systematisch onvoldoende diep gesequeneerd en kan er niet worden geanalyseerd:

Gene	exon	cDNA	proteïn
CEBPA	1	c.340_380	p.114-p.127
CEBPA	1	c.527_530	p.176-p.177
CEBPA	1	c.605_641	p.202-p.214
CEBPA	1	c.735_743	p.245-p.248
EZH2	7	c.654_728	p.218-p.243
KRAS	5	c.558_567	p.186-p.189
NF1	6	c.587_598	p.196-p.200
NF1	21	c.2460_2568	p.820-p.856
RUNX1	9	c.1314_1363	p.439-p.455
RUNX1	9	c.1424_1443	p.475-p.481
STAG2	17	c.1535_1560	p.513-p.521
TP53	4	c.227_235	p.76-p.79

De volgende regio's zijn regio's met een verminderde sensitiviteit: voor deze regio's kan de analyse uitgevoerd worden maar de detectielimiet van 5% kan niet gegarandeerd omdat de coverage <500x is.

Gene	exon	cDNA	proteïn
ANKDR26	5	c.639_709	p.213-p.237
	19	c.1986	p.662
	23	c.2693_2697	p.898-p.899
ASXL1	13	c.4330_4366	p.1444-p.1456
BCOR	7	c.3239_3502	p.1080-p.1168
CSF3R	17	c.2400_2461	p.801-p.821
DDX41	12	c.1231_1255	p.411-p.419
DNMT3A	22	c.1585_1597	p.862-p.866
ETV6	6	c.1136_1152	p.379-p.384
GATA2	5-6	c.1133_1146	p.378-p.382
NF1	1	c.1_60	p.1-p.20
	5	c.571_586	p.191-p.196
	7	c.665_730	p.219-p.244
	13	c.1405_1430	p.469-p.477
	24-25	c.3114_3240	p.1038_1081
	35	c.4652_4687	p.1551-p.1563
	52	c.7616_7738	p.2539-p.2580
STAG2	22	c.2097_2137	p.700-p.713
TET2	3	c.232_267	p.78-p.89
	3	c.2450_2483	p.817-p.828
	3	c.2564_2595	p.855-p.865
TP53	3-4	c.75_226	p.25-p.75
ZRSR2	4-5	c.273_345	p.91-p.115