



Geachte collega,

Bij deze informeren we u over een aantal nieuwigheden die van belang zijn voor de Moleculaire analyses bij Hematologische aandoeningen.

Nieuwe Genen in de Myeloid en Lymfoid NGS panel:

Sinds 31/01/2022 werden een aantal extra genen toegevoegd aan onze NGS panels:

1. Myeloid NGS panel:

Nieuwe genen werden toegevoegd die van belang zijn in de diagnose van myeloïde neoplasma met kiemlijn predispositie (ANKRD26, ETV6, DDX41, ETV6, GATA2) en voor Juvenile Myelomonocytair Leukemie – JMML (NF1 en PTPN11).

Om te voldoen aan de NGS-overeenkomst en aan de ComperMed lijst van genen geanalyseerd voor “standard of care” DNA testing bij maligne hematologische aandoeningen, werden ook een aantal extra regio's toegevoegd in het Myeloid NGS panel

- Extra exon voor KIT (exon 14)
- Extra exons voor TP53 (2, 10 en 11)

NB: Het gen KMT2A werd verwijderd uit het Myeloid NGS panel vanwege zijn beperkte relevantie.

2. Lymfoid NGS panel:

Nieuwe genen werden toegevoegd die van belang zijn voor de prognose van Folliculair lymfoom (m7-FLIPI; ARID1A en TRAF2) en voor T-ALL (PTEN).

Wij u ook onze andere nieuwsbrieven lezen, neem dan een kijkje op de **labogids**

Om te voldoen aan de NGS-overeenkomst en aan de ComperMed lijst van genen geanalyseerd voor "standard of care" DNA testing bij maligne hematologische aandoeningen werden ook een aantal extra regio's toegevoegd aan het Lymfoïd NGS panel:

- Extra exons voor TP53 (2 en 11)

Meer informatie over geanalyseerd genen is terug te vinden in de labogids van het UZA:

<http://labogids.uza.be/Pages/Details.aspx?testid=13529>

<http://labogids.uza.be/Pages/Details.aspx?testid=13498>

Nieuwe Next Generation Sequencing terugbetaling:

Sinds 01 januari 2022 zijn de indicaties voor terug betaling van NGS uitgebreid.

NGS wordt nu ook terugbetaald voor patiënten met Juveniele myelomonocytaire leukemie (JMML) en T-lymfoblastische leukemie/lymfoom (T-ALL/LBL).

Er wordt ook een terugbetaling voorzien voor RNA sequencing (screening translocaties via NGS) voor de volgende indicaties: Lymfoblastische leukemie/lymfoom (ALL/LBL) en Myeloïde/lymfoïde neoplasma met eosinofilie en genherschikking (M/L-eos) in het geval van een sterk vermoeden volgens WHO criteria (hypereosinofilie EN vermoeden van AML of MPN of MPN/MDS of ALL/LBL).

De RNA sequencing techniek is al sinds 2020 gevalideerd en geaccrediteerd in ons labo.

Meer informatie over geanalyseerd fusietranscripten is terug te vinden in de labogids van het UZA:

<http://labogids.uza.be/Pages/Details.aspx?testid=13562>

Tenslotte willen we u danken voor uw vertrouwen en de zeer aangename samenwerking.

Met collegiale groeten,

Marie Le Mercier

Marie-Berthe Maes

Katrien Vermeulen