



Geachte collega,

Bij deze informeren we u over een aantal nieuwigheden die van belang zijn voor de Moleculaire analyses bij Hematologische aandoeningen.

Nieuwe RIZIV terugbetaling:

Sinds 01/05/2021 en 01/07/2021 zijn er 2 nieuwe RIZIV terugbetalingen via hoofdstuk VIII en artikel 33ter van toepassing:

1. Sinds 1 mei 2021 wordt **FLT3-ITD** en **FLT3-TKD** opsporing ook terugbetaald bij gerecidiveerde of refractaire AML. Concreet betekent dit dat FLT3-ITD en TKD testen ook worden terugbetaald bij een **herval of refractaire AML binnen 1 jaar na diagnose**.
2. Sinds 01 juli 2021 wordt de **BCR-ABL1 transcript detectie** tot 12 keer per jaar terugbetaald bij **CML na TKI stop**. Vroeger werd monitoring van BCR-ABL1 transcript slechts 4 keer per jaar (dus elke 3 maanden) terugbetaald. Het is nu mogelijk om de BCR-ABL1 test 1 keer per maand uit te voeren na TKI stop (12 keer per jaar) gedurende het eerste jaar en 1 keer om de 2 maanden (6 keer per jaar) het tweede jaar.

Daarom vragen wij u om bij de aanvraag van het test altijd te vermelden of het een patiënt is die in deze categorie valt.

Nieuwe Next Generation Sequencing terugbetaling:

Sinds 01 januari 2021 zijn de indicaties voor terug betaling van NGS uitgebreid. NGS wordt nu ook terug betaald voor patiënten met essentiële thrombocytose (ET), Systemische mastocytose (SM) en Chronische lymfatische leukemie (CLL) bij therapienoodzaak. Voor deze indicaties, een multidisciplinair oncologisch consult met een positief advies is vereist.

Voor AML, in geval van herval binnen 1 jaar wordt het uitvoeren van een NGS test ook toegestaan na positief advies door het MOC-(multidisciplinair oncologisch consult) team.

Wil u ook onze andere nieuwsbrieven lezen, neem dan een kijkje op de labogids

Nieuwe uitbesteding voor BCR-ABL1 kinase domein mutatie analyse in CML en ALL:

Sinds midden september 2021, sturen wij de stalen voor BCR-ABL1 kinase domein mutatie analyse systematisch naar IPG Gosselies. In dit labo worden de analyses uitgevoerd door ddPCR en NGS waardoor een groter aantal relevante mutaties kan worden gedetecteerd. De analyse beperkt zich dus niet meer tot enkele hotspots.

Tenslotte willen we u danken voor uw vertrouwen, en de zeer aangename samenwerking.

Met collegiale groeten,

Marie Le Mercier

Marie-Berthe Maes

Katrien Vermeulen